



ID de Contribution: 12

Type: Non spécifié

A probabilistic approach for genome assembly from high-throughput chromosome conformation capture data

jeudi 18 avril 2013 18:00 (30 minutes)

Auteur principal: MARIE-NELLY, Hervé (Institut Pasteur)

Orateur: MARIE-NELLY, Hervé (Institut Pasteur)

Classification de Session: 2. actualités