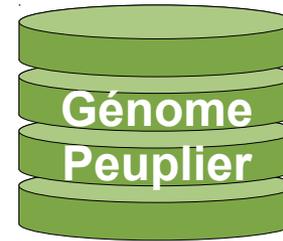


De la Biologie aux données

ARBRE FEUILLE ATIGE RACINE CAGSTAGONTAGCATCGATCGTCCGGCATCG



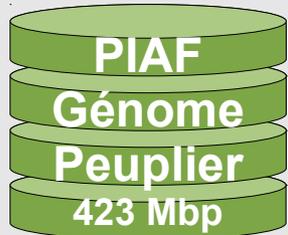
phénotype = f(**génotype** X **environnement**)

phénotype = f(transcriptome)



Des données aux calculs

ATGCGCGTAGCATCGATCGGTCCGACTAGGTTA1010110101101010101

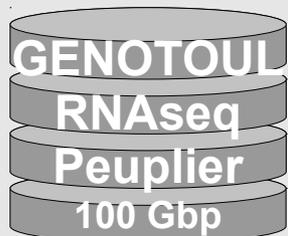


Serveur

128 Go mém.
900 Go disque
16 cœurs
1 Dell R720
(IDRAC7e)

Base de données
Statistiques
Développements

- 41 335 gènes
- 73 013 transcrits
- graphes 50 000 points
- matrices corrélations



Cluster

14 To mém.
157 To disque
1 664 cœurs

Logiciels spécifiques
Calculs parallèles
Applications

- 27 échantillons
- 100 bp.seq⁻¹
- 1 215 Mseq
- mapping 3 j.700 cœurs⁻¹