

VICTOR Jean-Marc, DR1 CNRS

Laboratoire de Physique Théorique de la Matière Condensée (LPTMC), Sorbonne Université - CNRS UMR 7600
4, place Jussieu - 75252 Paris cedex 05 – France.
Tel.: 00 33-6-81-46-98-23 - e-mail: jean-marc.victor@sorbonne-universite.fr

Domaine de recherche

Physique statistique / Polymères / Modélisation physique des chromosomes

Activités Professionnelles

- Responsable de l'équipe « Modélisation multi-échelles de la Matière Vivante » au LPTMC depuis 2000.
- J'ai créé en 2012 le GDR ADN (Architecture et Dynamique Nucléaires), dédié à la modélisation physique de l'organisation nucléaire. J'en ai été le directeur jusqu'en 2021, date où il est devenu le GDR ADN&G (Architecture et Dynamique du Noyau et des Génomes) dont j'ai été co-directeur (<https://adn-g.fr/>). Je suis aujourd'hui au bureau du GDR ADN-Phys, nouvelle déclinaison du GDR ADN.
- J'ai été membre nommé du CSI de l'INP de 2021 à 2023 et membre élu de la CID 51 de 2022 à 2025. Je suis membre nommé du CSI de CNRS Physique depuis 2024.
- Editeur (avec Christophe Lavelle) de l'ouvrage collectif international « Nuclear Architecture and Dynamics », Volume 2 de « Translational Epigenetics Series », Academic Press, 2018.
- J'ai initié les « Rencontres scientifiques des Grands Causses » à Millau (Aveyron): consacrées à la « Modélisation physique de l'organisation nucléaire et de ses pathologies ». 6 éditions depuis 2015 (<https://indico.in2p3.fr/event/36684/>).

68 publications avec comité de lecture (3600 citations sur google scholar : [Jean-Marc Victor](#))

34 communications orales à des conférences internationales sur invitation.

Directeur de 6 thèses.

SELECTION DE PUBLICATIONS RECENTES

- 1 Fatmaoui F., Carrivain P., Grewe D., Hagen., Jakob B., **Victor J-M.**, Leforestier A., Eltsov M. (2026)
Direct visualization and tracing of chromatin fold in Drosophila embryo
EMBO J 45, 1621–1647
<https://doi.org/10.1038/s44318-026-00701-7>
- 2 Vertchik K., Bony S., Taiki F., Degrouard J., **Victor J-M.**, Leforestier A. (2025)
Helical correlations in curved DNA condensates
Nucleic Acids Research, Volume 53, Issue 19
<https://doi.org/10.1093/nar/gkaf989>
- 3 Lesage, A; Dahirel, V; **Victor, JM**; Barbi, M (2019)
Polymer coil-globule phase transition is a universal folding principle of Drosophila epigenetic domains
Epigenetics and Chromatin 12:28
- 3 Socol, M; **Victor, JM**; Gadal, O.; Bancaud, A. (2019)
Rouse model with transient intramolecular contacts on a timescale of seconds recapitulates folding and fluctuation of yeast chromosomes
Nucleic Acids Research 47, 6195-6207.
Cinq équipes du GDR ADN y ont participé, cf communiqué de presse de l'INSIS: <https://www.insis.cnrs.fr/fr/cnrsinfo/un-modele-pour-mieux-comprendre-lorganisation-spatiale-des-chromosomes>
- 4 Tantale, K; Mueller, F; Kozulic-Pirher, A; Lesne, A; **Victor, JM**; Basyuk, E; Bertrand, E (2016)
A single-molecule view of transcription reveals convoys of RNA polymerases and multi-scale bursting
Nature Communications 7:12248
- 5 Cortini, R; Barbi, M; Caré, BR; Lavelle, C; Lesne, A; Mozziconacci, J; **Victor, JM** (2016)
The physics of epigenetics
Reviews of Modern Physics 88:025002