

Cinquième réunion du GDR Architecture et Dynamique Nucléaire (ADN)

vendredi 1 avril 2016

Drosophile + mammifères (11:30 - 13:30)

time	[id] title	presenter
11:30	[10] Predicting 3D folding of the fly epigenome	M. CARRIVAIN, Pascal
12:00	[2] Epigenomics in 4D: a functional role for the dynamic coupling between epigenome and chromatin organization	Dr JOST, Daniel
12:30	[8] Le HRS-seq : une nouvelle méthode d'analyse à haut-débit des séquences génomiques associées aux compartiments nucléaires	Dr BAUDEMONT, Marie-Odile
13:00	[15] Discussion libre	